

Год: 2019

Неделя: 37

Период: 09.09.2019-15.09.2019

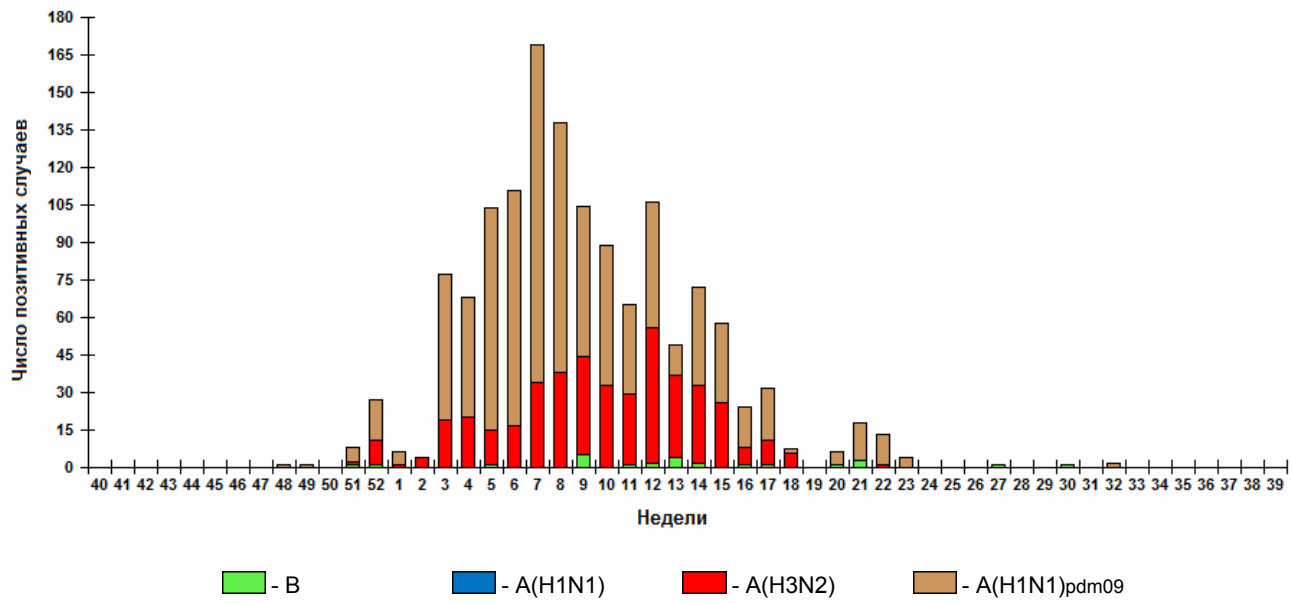
Превышение эпидпорогов заболеваемости по всему населению



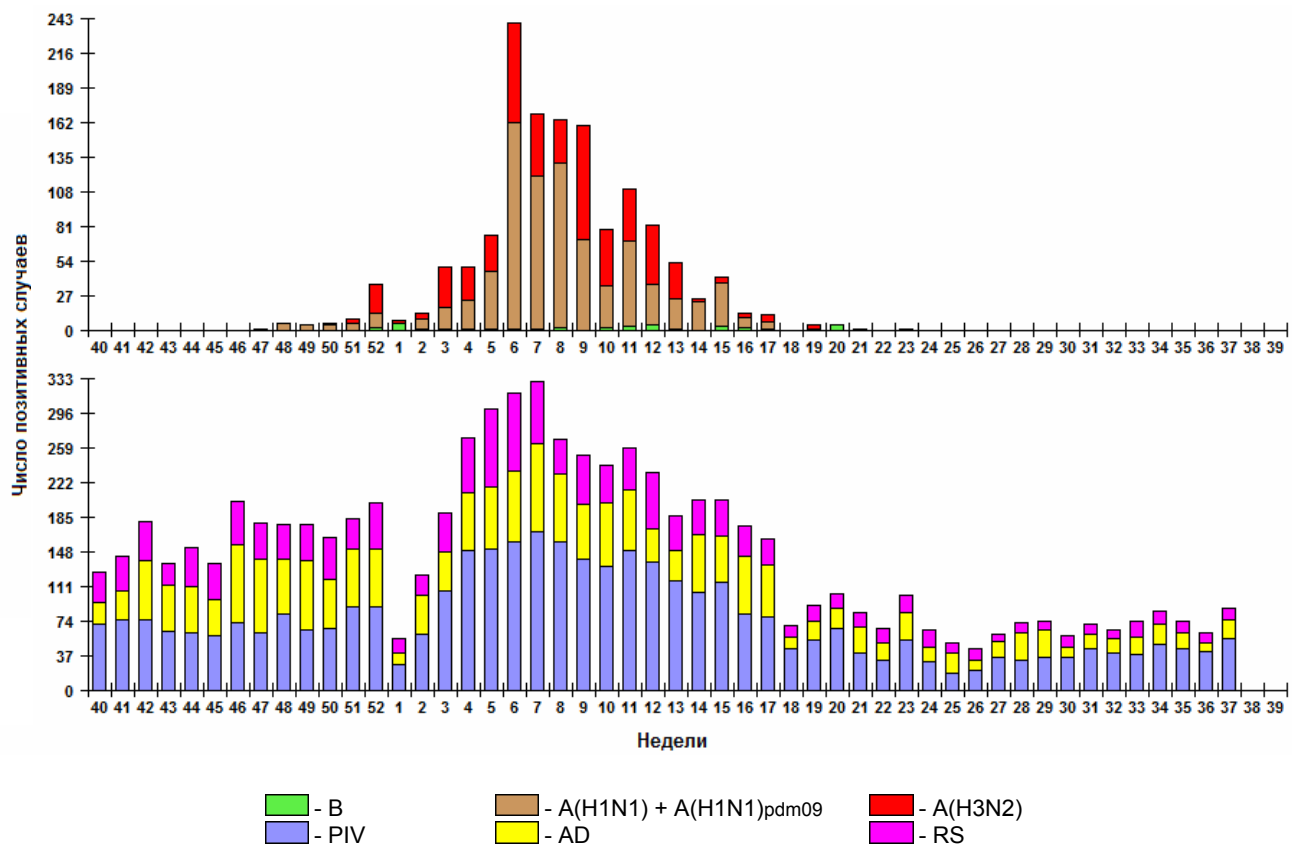
Результаты диагностики гриппа



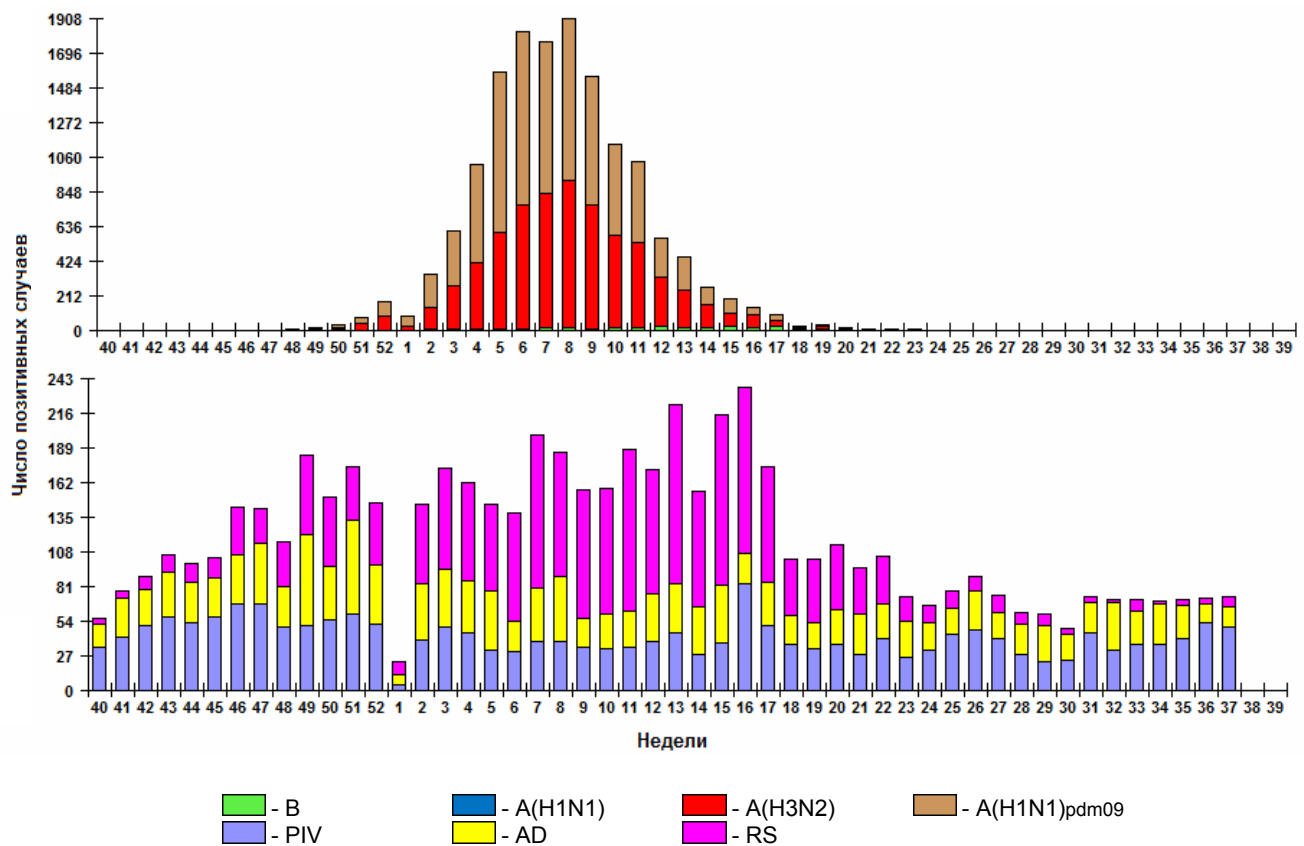
Выделение вирусов гриппа



Результаты иммунофлуоресцентной (ИФ) диагностики



Результаты RT-PCR диагностики



Заключение

На 37 неделе 2019 г. уровень заболеваемости населения в целом по стране вырос и составил 50.1 на 10 000 населения, но был ниже базовой линии (72.2) на 30.6% и ниже еженедельного эпидемического порога на 9.6%.

Лабораторными методами на 37 неделе при исследовании материалов от 1192 больных гриппом и ОРВИ в 45 городах случаев гриппа не зарегистрировано.

На 37 неделе вирусов гриппа не выделено. Всего с начала сезона изолировано 1366 вирусов гриппа, в том числе 915 - A(H1N1)pdm09, 426 - A(H3N2) и 25 вирусов гриппа типа В.

Антигенная характеристика. С начала сезона в НЦГ (Санкт-Петербург, Москва) антигенно охарактеризовано 766 вирусов гриппа, в том числе 520 вирусов гриппа A(H1N1)pdm09, 219 вирусов гриппа A(H3N2) и 27 штаммов вируса гриппа типа В. Все вирусы гриппа A(H1N1)pdm09 были близкородственны современному вакцинному штамму A/Мичиган/45/2015, вирусы A(H3N2) - современному вакцинному штамму A/Сингапур/INFIMH-16-0019/2016, при этом 18 вирусов реагировали с антисывороткой к референс-штамму до 1:8 и менее гомологичного титра. 6 вирусов гриппа В были отнесены к линии Виктория и подобны современному вакцинному штамму В/Колорадо/06/2017, 3 вируса были подобны референс-вирусу В/Брисбен/60/08 Викторианской линии и 16 вирусов отнесены к линии Ямагата и подобны референс-вирусу В/Пхукет/3073/2013, из них 12 были подобны референс-вирусу В/Пхукет/3073/2013, 4 штамма реагировали с антисывороткой к референс-штамму до 1:8 и менее гомологичного титра.

Генетический анализ. С начала сезона в Национальном Центре по гриппу (Санкт-Петербург) проанализировано 205 вирусов гриппа типа А, в том числе 107 вирусов гриппа A(H1N1)pdm09, 98 штаммов вируса гриппа A(H3N2), и 6 вирусов гриппа типа В. По данным генетического анализа вирусы гриппа A(H1N1)pdm09 относились к генетической подгруппе 6В.1 и подобны вакцинному штамму A/Мичиган/45/2015(H1N1)pdm09. Все исследованные штаммы подтипа A(H3N2) принадлежали к генетической подгруппе 3С.2а1b (референс-штамм A/Alsace/1746/2018). 2 вируса гриппа типа В, относятся к линии Виктория, подгруппе V1А.1, имели делецию двух аминокислот (162-163) в гемагглютинине и подобны современному вакцинному штамму В/Колорадо/06/2017, 4 вируса гриппа В принадлежат к линии Ямагата, клайду 3.

Все проанализированные вирусы гриппа типа А обладали чувствительностью к ингибиторам нейраминидазы. Один вирус гриппа типа В имел сниженную чувствительность к озельтамивиру.

ОРВИ. Частота диагностирования ОРВИ негриппозной этиологии (парагрипп, аденовирусная, респираторно-синцитиальная, коронавирусная, бокавирусная, метапневмовирусная и риновирусная инфекция) составила по результатам ПЦР **35.4%**, по результатам ИФА (парагрипп, аденовирусная и респираторно-синцитиальная инфекция) **20.1%**.

В системе **Сигнального надзора** с помощью ПЦР обследован 21 больной ТОРИ, случаев гриппа не выявлено. 6 (**27.3%**) случаев ТОРИ были обусловлены другими вирусами ОРВИ, в том числе 1 - вирусом парагриппа и 5 - риновирусами.

При обследовании 38 амбулаторных больных ГПЗ/ОРИ грипп не диагностирован. Расшифровано 14 (**36.8%**) случаев заболеваний негриппозной этиологии, в том числе 3 случая были обусловлены парагриппозной, 1 - аденовирусной, 4 - респираторно-синцитиальной и 6 - риновирусной инфекцией.